

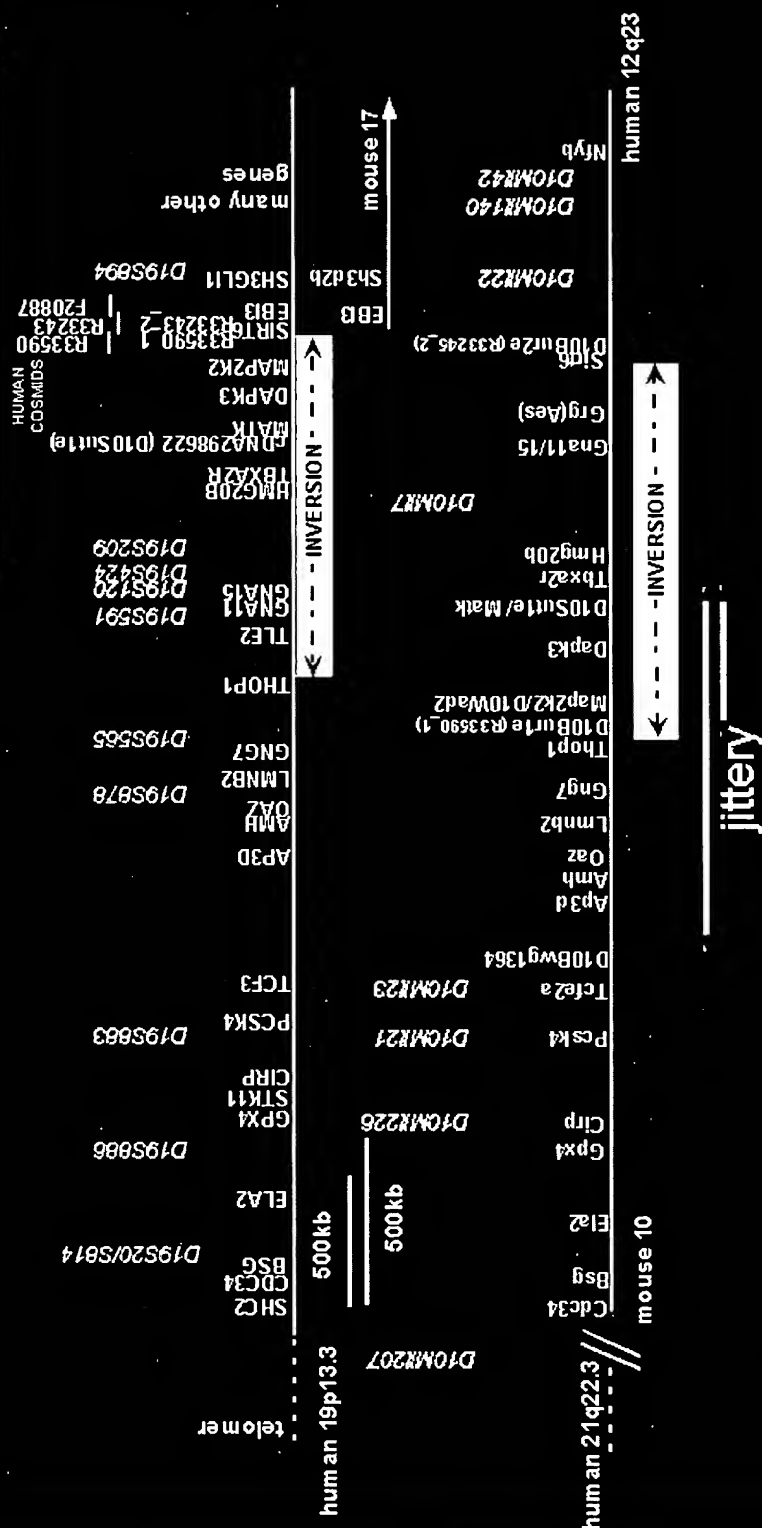
"Replacement Sheet"

Figure 15

Table 2

Marker	Forward	Reverse	Alleles	Size
21944ata	ctggaactacaggaatgtacc (SEQ ID NO:29)	ttctgtcttctgttcacgg (SEQ ID NO:46)	5	411
4k17ca	tgtgttcacactactacac (SEQ ID NO:30)	aaagaccaaagtctggcag (SEQ ID NO:47)	6	225
31646ata	aaatgcacctctgtgccttc (SEQ ID NO:31)	gatccaatgtgacatgccac (SEQ ID NO:48)	4	210
16601gt	caccagtgcagagaatcctt (SEQ ID NO:32)	tctctgggctgtgtgagagc (SEQ ID NO:49)	6	189
33083ca	atgacaagcactccagcctga (SEQ ID NO:33)	agcttgacgtgagccgagat (SEQ ID NO:50)	3	206
16492ec1	gccgtttgacgtgcattgtt (SEQ ID NO:34)	agcaatatccgctcttcctg (SEQ ID NO:51)	2	187
PTPRSX7	gactcctagtgtctcct (SEQ ID NO:35)	cacacataggacaaagag (SEQ ID NO:52)	2	266
A008X33	agacagagtaagacaaaaacacc (SEQ ID NO:36)	gatttgagaagatgtcagttt (SEQ ID NO:53)	2	160
A002R35	tggctattttctcatc (SEQ ID NO:37)	cacttgctgtgagactct (SEQ ID NO:54)	2	232
HIBx4	gcacgaaaacagactaatacgg (SEQ ID NO:38)	gttgcatctcagacctctcc (SEQ ID NO:55)	2	185
XRRC1ca1	ccgatggatctacagtgca (SEQ ID NO:39)	tcttgatgagaaccaactc (SEQ ID NO:56)	6	159
ERRC1ca2	ttacaggagtgcaccacat (SEQ ID NO:40)	aggactcacaagtgggtg (SEQ ID NO:57)	7	215
ERRC2ca6	ttgtactcactgtgtgccag (SEQ ID NO:41)	tagtaagccaagatcactccc (SEQ ID NO:58)	4	244
79129ca	ttagaagcccgtgttggaac (SEQ ID NO:42)	ctgtgattgtgagtggtgg (SEQ ID NO:59)	7	207
282485ca3	tagtccagggttggtgcaa (SEQ ID NO:43)	gaagacgtaacatgtccag (SEQ ID NO:60)	2	319
282485ca4	agccctaatactcgttctg (SEQ ID NO:44)	gcaggtgcagaataccttg (SEQ ID NO:61)	3	186
82621gt1	tctgtgtagtatcctcttc (SEQ ID NO:45)	gactatgaaggagaagta (SEQ ID NO:62)	6	151

Cayman ataxia



Region of overlap between jittery and Cayman ataxia

Figure 5